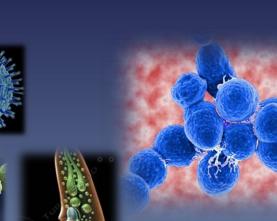


Шесть основных групп возбудителей инфекционных болезней человека

_ прионы;

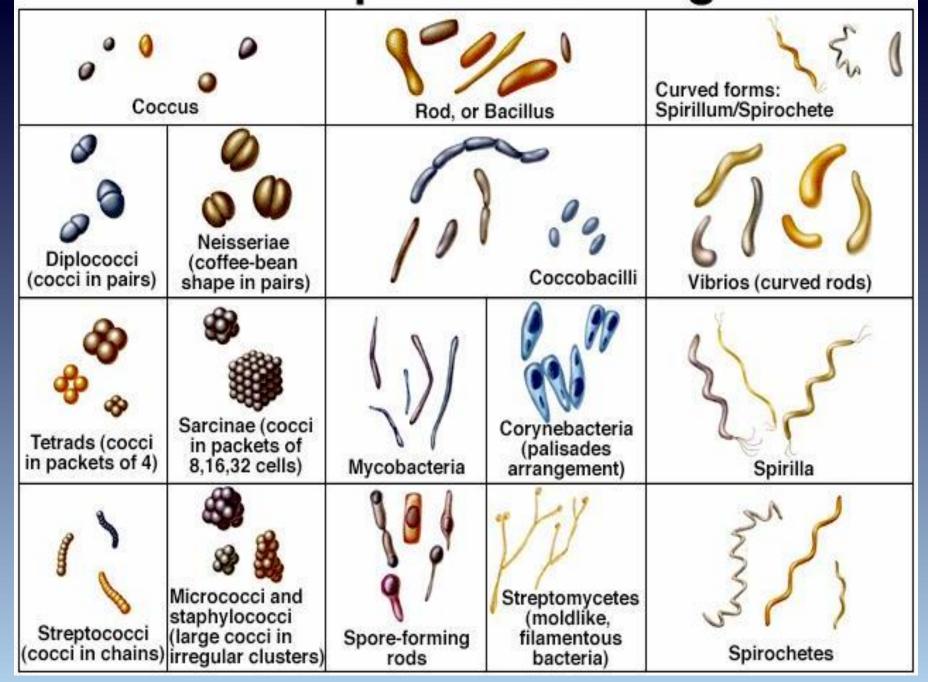


- бактерии;
- _ грибы;
- □ паразитические простейшие;
- паразитические черви (гельминты)



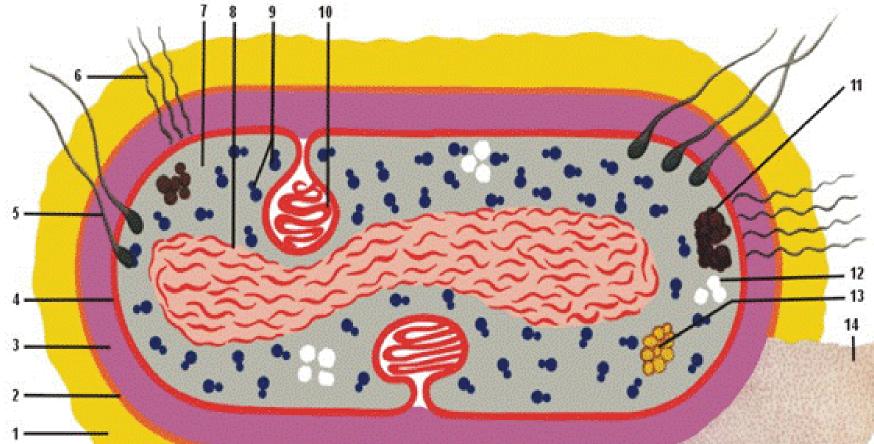








CXEMA СТРОЕНИЯ БАКТЕРИАЛЬНОЙ КЛЕТКИ BACTERIAL STRUCTURE



- 1. Макрокапсула (Macrocapsule)
- 2.Микрокапсула(Microcapsule)
- 3.Клеточная стенка (Cell wall)
- 4 Цитоплазматическая мембрана

(Cytoplasmic membrane)

- 5. Жгутики (Flagella)
- 6.Ворсинки (Pili)
- 7. Цитоплазна (Cytoplasm)

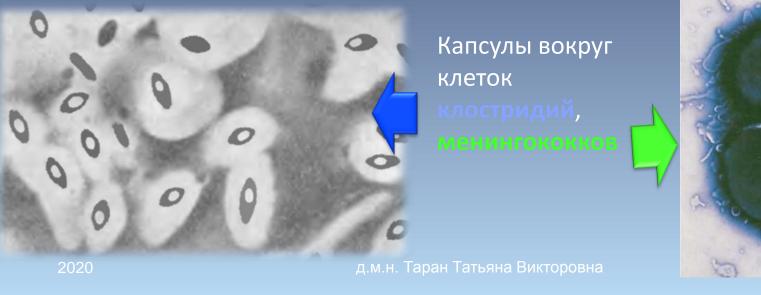
- 8. Нуклеоид (Nucleoid)
- 9. Рибосомы (Ribosomes)
- 10. Mesocoma (Mesosome)
- 11.Зерна волютина (Volutin granules)
- 12 Гликоген (Glycogen)
- 13. Вкрапления липидов (Lip oprotein bodies)
- 14 Гликокаликс Glycocalyx, Sume layer)

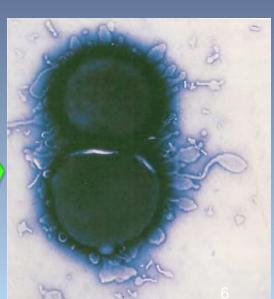
Капсула

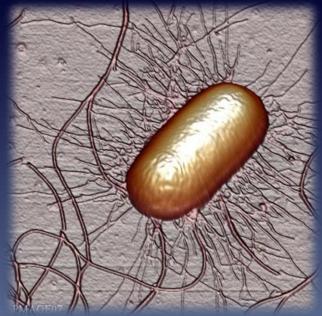
Капсула — слизистый слой, который обычно сохраняет связь с клеточной стенкой. Гидрофильна. Состоит из мукополисахаридов, реже — из полипептидов (сибиреязвенные бактерии), тесно прилегающих к клеточной стенке. Необязательная структура.

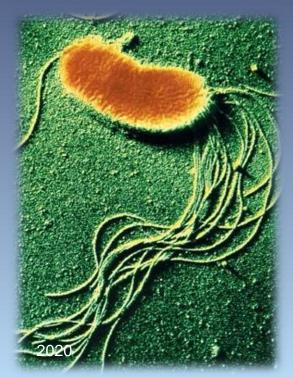
Функции капсулы:

Капсула предохраняет от повреждения, высыхания, воздействия бактериофагов и ферментов, определяет антигенную специфичность и иммуногенные свойства









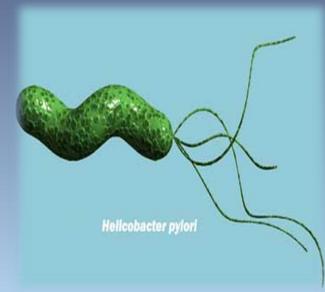
Жгутики

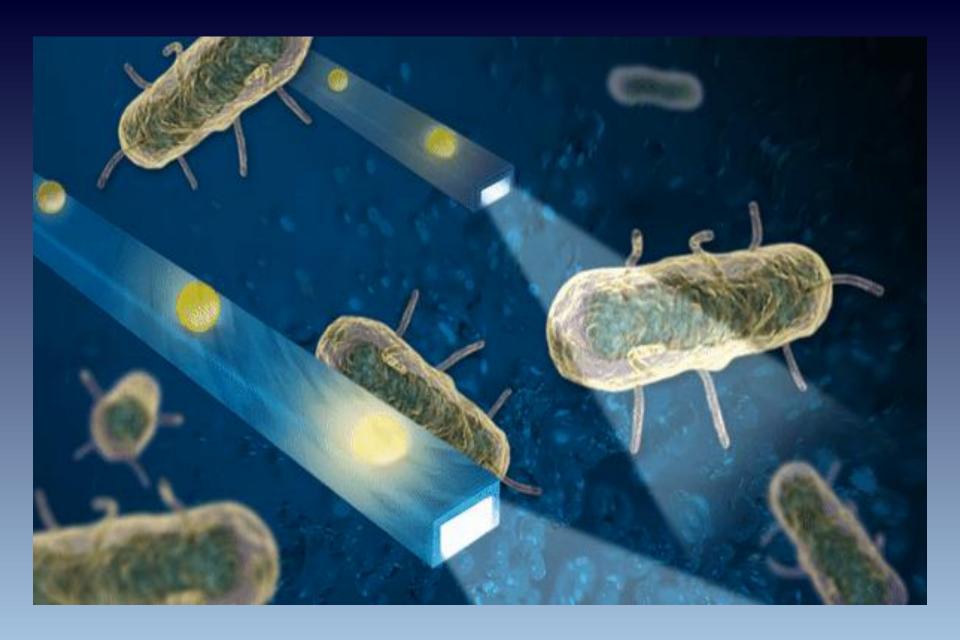
- Обеспечивают подвижность. Содержат белок флагеллин, относящийся к сократительным белкам типа миозина.
- Обладают антигенностью
- Различают монотрихи одиночные,
 лофотрихи пучок, амфитрихи на
 обоих концах клетки, перитрихи по
 всей поверхности бактериальной клетки





д.м.н. Таран Татьяна Викторовна



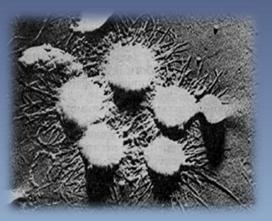


ПИЛИ (фимбрии, микроворсинки)

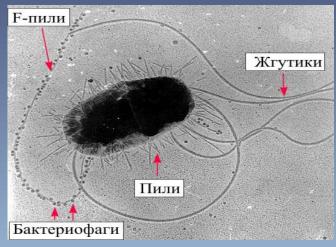
- Тонкие полые нити из белка фибрина, не сократимы
- Функции:
- адгезивные пили (пили 1 общего типа) обеспечивают адгезию бактерий к определенным клеткам;
- половые пили 2 типа (конъюгативные или sex pili) участвуют в
 переносе части генетического материала от клетки донора к
 реципиенту; частично осуществляют питание и водно-солевой







Кокки с фимбриями. Увел. × 12000



Палочковидная бактерия с половыми и адгезивными пилями.

Клеточная стенка

Гр (+): толстая, состоит из нескольких слоев пептидогликана, связанных с тейхоевыми кислотами. Имеет однородную многослойную структуру.

Гр (-): тонкая, пептидогликан однослоен, покрыт наружной трехслойной мембраной, в состав которой входят липопротеид и пластинчатая структура из липосахаридов и фосфолипидов. Не содержит тейхоевых кислот.

Функции:

- Придает клетке определенную форму,
- Защищает клетку от факторов внешней среды
- Участвует в регуляции роста и деления клетки
- Обеспечивает коммуникацию с внешней средой через каналы и поры (поступление продуктов питания, выделение продуктов обмена)
- Имеет рецепторы для фагов, бактериоцинов и др.
 Протопласты полностью лишены клеточной стенки,
 Сферопласты частично лишены клеточной стенки

Основной компонент клеточной стенки – <u>пептидогликан</u> (муреин)

Пептидогликан – полимер, состоящий из повторяющихся дисахаридных групп, в образовании которых участвуют N-ацетилглюкозамин и N-ацетилмурамовая кислота.

Содержит родо- и видоспецифические антигены

Паттерн для толл-лайк рецепторов (TLR) **Тормозит фагоцитоз** макрофагов

Запуск активации комплемента

ПЕПТИДОГЛИКАН

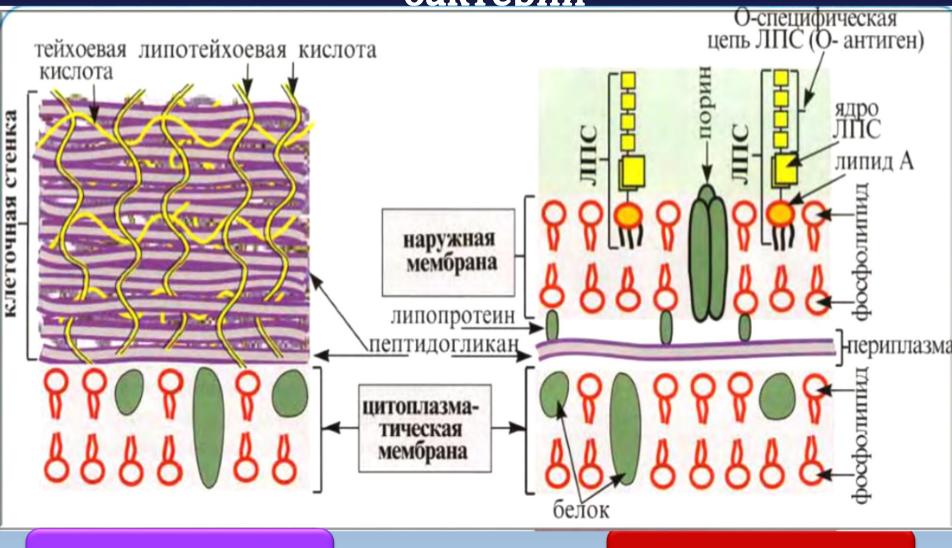
Угнетает миграцию макрофагов

Индуцирует гиперчувствительность замедленного типа

Противоопухолевое действие

Пирогенное действие на человека и животных

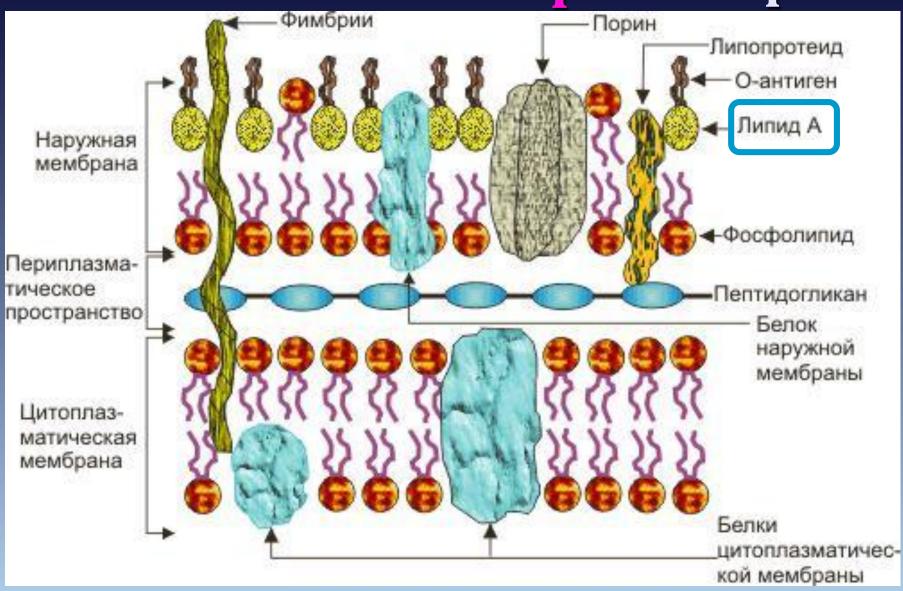
Схема строения оболочек Гр+ и Грбактерий



Гр+

Гр-

Клеточная стенка Гр- бактерий

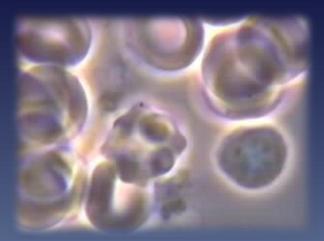


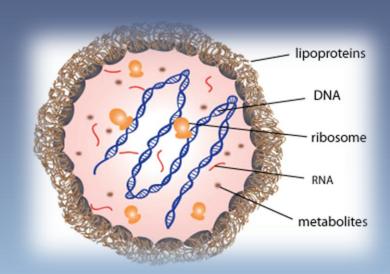
ФУНКЦИИ ЛПС:

- определяет антигенную специфичность
- является одним из факторов патогенности (эндотоксин)
- запускает синтез около 20 различных биологически активных соединений
- диагностика различных штаммов.

B. subtilis. масштаб - 500 нанометров. L-форма

L-формы бактерий и микоплазмы



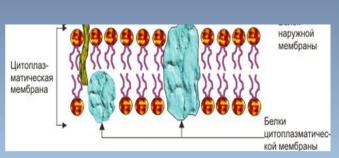


Микоплазма

Цитоплазматическая мембрана (ЦПМ)

Состоит из двойного фосфолипидного слоя. В двойной слой липидов встроены полностью или частично интегральные белки мембран. Другие белки только прикреплены к поверхности ЦПМ.

- 🧧 Осмотический барьер
- Активный транспорт веществ (с помощью пермеаз)
- Биохимический синтез
- 🛚 Аккумуляция энергии
- 👱 С ней связаны жгутики и аппарат регуляции их движения
- Участие в процессах деления и репликации клеток (мезосомы)
- Участвует в регуляции репликации хромосом и плазмид





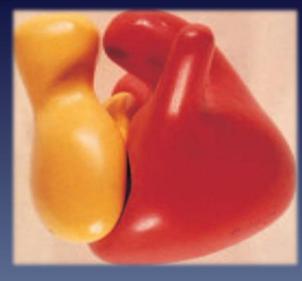
Цитоплазма (Ц.)

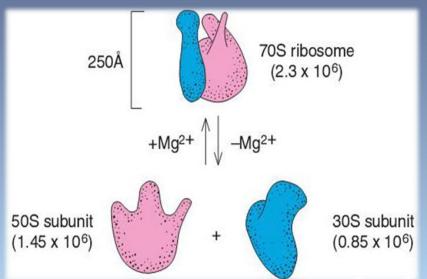
Ц. заполняет полость клетки, отграниченную ЦПМ. В ней нет эндоплазматического ретикулума и других цитоплазматических органелл, свойственных эукариотам; она неподвижна. Ц. прокариотов представляет собой сложную коллоидную систему, основные компоненты которой – белки, ферменты, т-РНК, ДНК, аминокислоты, вода и др.

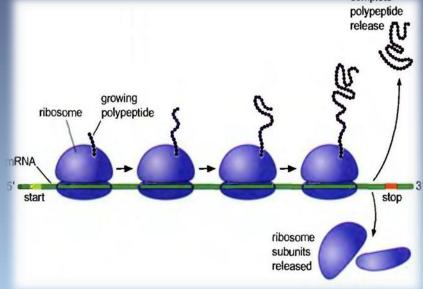
Ц. прокариот содержит органеллы: рибосомы, мезосомы и нуклеоид, а также различные непостоянные включения (гранулы гликогена — источник энергии, зерна волютина — у возбудителя дифтерии и др.). У спорообразующих бактерий именно в Ц. идет формирование спор.

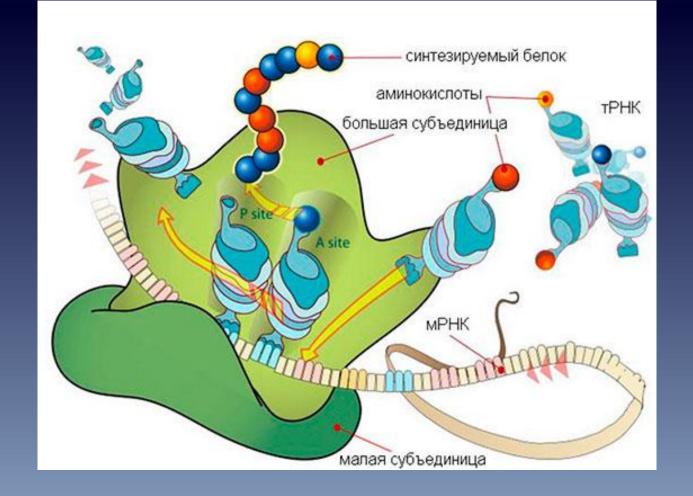
Рибосомы прокариот

■ Бактериальная клетка содержит от 5 до 50 тыс. рибосом. Различия между рибосомами бактерий (70S) и эукариот (80S) имеют решающее значение для борьбы с инфекционными болезнями, т.к. некоторые антибиотики (аминогликозиды, тетрациклины, макролиды, хлорамфеникол) подавляют синтез белка, протекающий именно на рибосомах 70S.



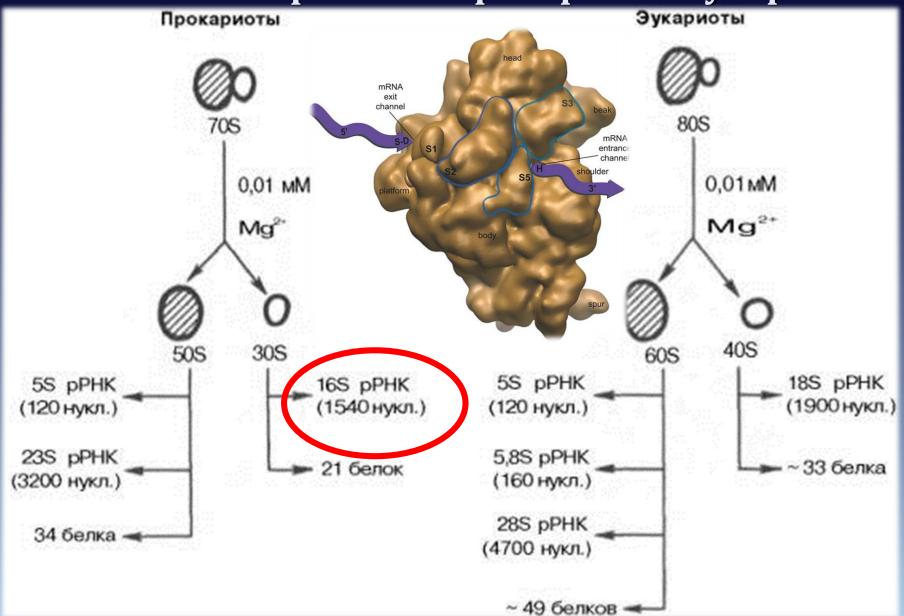






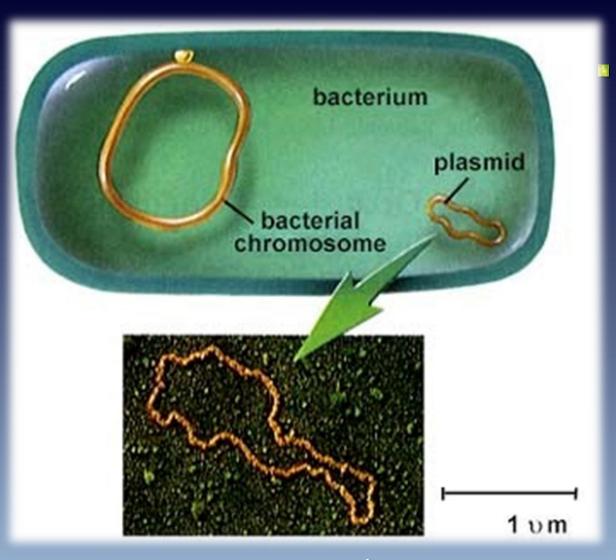
- Схематическое изображение рибосомы в процессе трансляции. Малая субъединица связывает мРНК, а большая субъединица направляет тРНК к матричной РНК, контролируя правильное спаривания соответствующих триплетов кодонов и антикодонов;
- Рибосома синтезирует белок из аминокислот на основе генетической информации, предоставляемой матричной РНК.
 Д.М.Н. Таран Татьяна

Компоненты рибосом прокариот и эукариот



Нуклеоид прокариот

- Это эквивалент ядра в клетке эукариотов
- Нуклеоид бактерий не имеет собственной мембраны,
 т.е. не отграничен от цитоплазмы
 - Один нуклеоид заключает в себе макромолекулу ДНК в суперспирализованной форме, в ДНК содержится 1000-5000 генов (у эукариот 10-100 тыс. генов, у вирусов 10-100 генов). Эта молекула в развернутом состоянии представляет собой замкнутую кольцевую структуру (редко линейная ДНК боррелии) длиной немного более 1 мм, в которой закодирована вся генетическая информация клетки.
 - Число нуклеоидов в клетке меняется в зависимости от фазы роста культуры (от 1 в фазе покоя до 4 и более в логарифмической фазе.
- Плазмиды (кольцевые, реже линейные молекулы ДНК)



Плазмиды

Внехромосомные молекулы ДНК, кольцевой формы, способны к автономной репликации, кодируют различные генетические маркеры детерминанты, позволяющие бактериям лучше выживать или успешнее конкурировать с другими, занимающими ту же экологическую нишу.

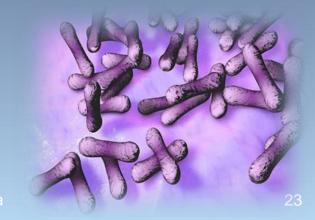
- 💶 Никогда не содержат информации о важных для жизни признаках;
- основной механизм для горизонтального переноса генов

Включения



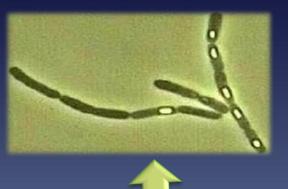
В цитоплазме имеются различные включения в виде гранул гликогена, полисахаридов, бета-оксимасляной кислоты и полифосфатов (волютин). Они являются запасными веществами для питания и энергетических потребностей бактерий. Волютин обладает сродством к основным красителям и легко выявляется с помощью специальных методов окраски (например, по Нейссеру) в виде метахроматических гранул. Характерное расположение гранул волютина выявляется у дифтерийной <u>палочки</u> в виде интенсивно прокрашивающихся полюсов клетки.





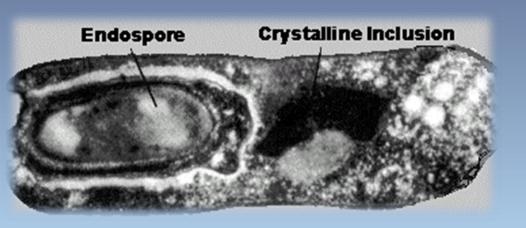


Формирование спор у бацилл



Bacillus subtilis
ATCC 6633

Споры бактерий рода Bacillus под электронным микроскопом. В почве сохраняются на протяжении 200 лет

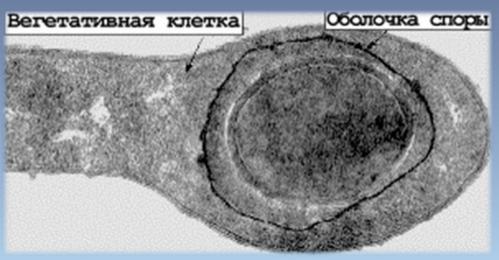




Формирование спор у клостридий









Электронограмма ультратонкого среза столбнячной палочки (Clostridium tetani) в процессе спорообразования

Таксономия (систематика) бактерий

Научная классификация организмов, наука о разнообразии живых организмов, взаимоотношениях и родственных связях между группами (таксонами).

(от греч. *Taxis* – расположение; nomos – закон, порядок)

Цель — создание <u>единой системы</u> органического мира с учетом филогенетического родства.

Включает три раздела:

- классификация ранжирование известных живых организмов по биологическим таксонам (таксон единица классификации);
- номенклатура порядок присвоения названий живым организмам (диктует правила наименования таксонов),
- **идентификация** работа с неизвестными живыми организмами по установлению их принадлежности к тем или иным уже имеющимся таксонам.

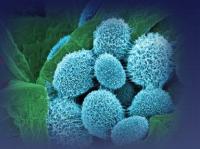
Таксономия (систематика)

- Систематика бактерий начала активно развиваться только в конце XX в.
- Именно тогда были найдены методы, благодаря которым ученые смогли выявлять основные принципы жизнедеятельности многочисленных представителей царства бактерий.
- Ввиду того, что человек только начал изучение микроорганизмов новыми методами, завершенной схемы прокариотического сообщества в микробиологии еще не существует.
- Вообще сложно с уверенностью сказать, что когда-нибудь она будет составлена.

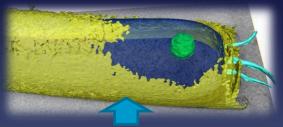
Признаки для классификации микроорганизмов по фенотипу (фенотипический метод)

- Морфологические
- Тинкториальные
- Культуральные
- Особенности питания
- 🥦 Тип дыхания
- Биохимические
- 🧶 Антигенные
- Чувствительность к бактериофагам
- Химические
- 🧶 идр.

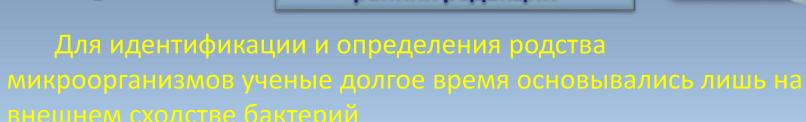
По определителю Берджи ранних редакций





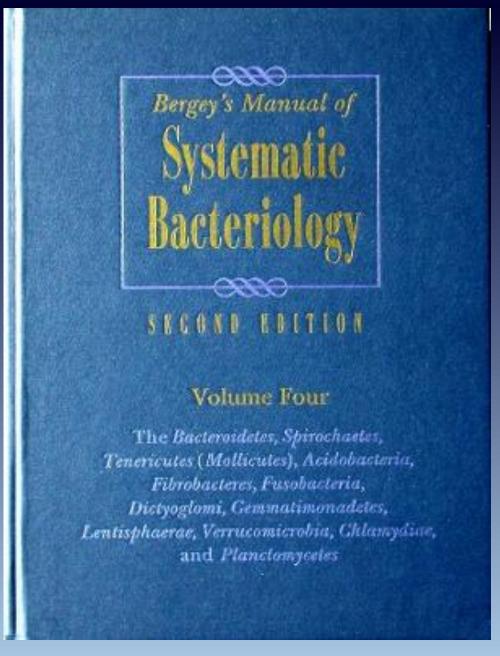


Метанообразующая архебактерия Methanospirillum hungatei и её энергетическая гранула



Современная систематика бактерий

- Конечной целью таксономии является построение такой системы, в основе которой лежали бы филогенетические (родственные) связи между прокариотными организмами
- В 60-х гг. ХХ в. было установлено, что все свойства организма определяются уникальными молекулами – ДНК, поэтому бактерии могут быть классифицированы путем сравнения их геномов.
- По такому признаку, как генетический материал (ДНК, РНК), оказалось возможным на основании выявления степени сходства делать вывод о степени родства между организмами.
- Основными методами современной таксономии являются:
 генотипический, фенотипический и филогенетический.

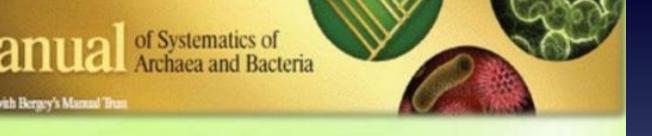


Таксономия бактерий Определитель Берджи

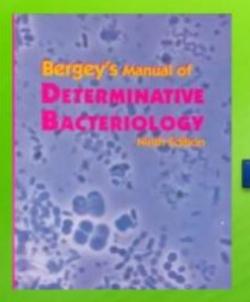
Создание «Bergey's Manual of Systematic Bacteriology» соответствует второму направлению в систематизации микроорганизмов — построению системы их филогенетического родства.

Bergey's Manual of Systematics of Archaea and Bacteria

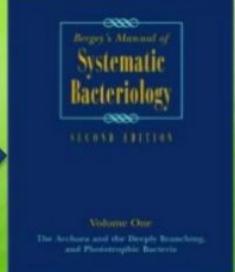
Published by John Wiley & Sons, Inc. in Association with Bergey's Manual Trust



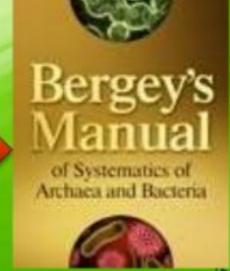
BERGEY'S MANUAL





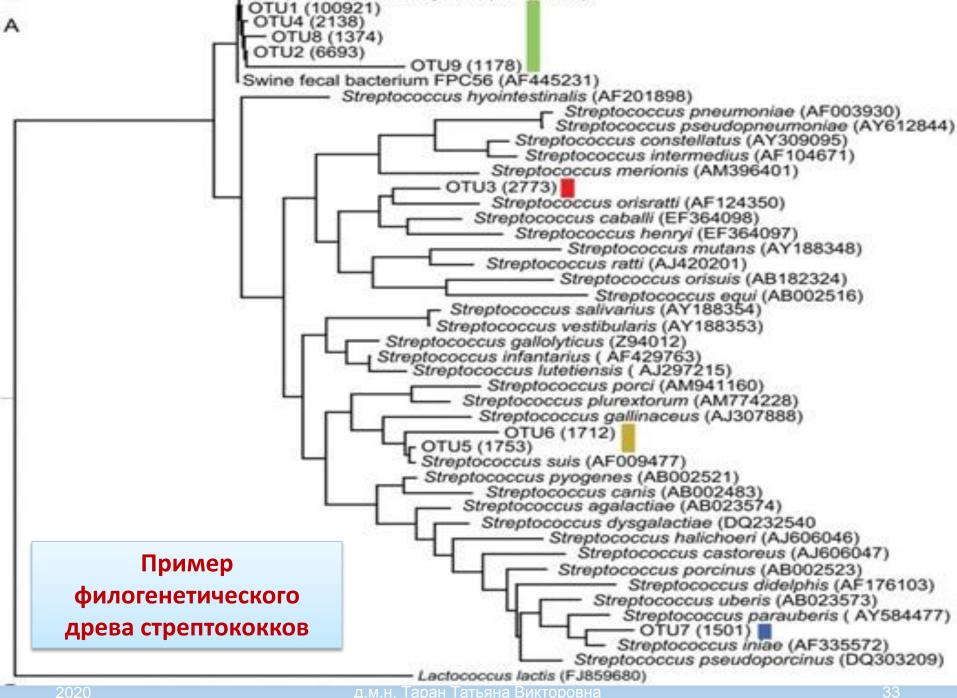






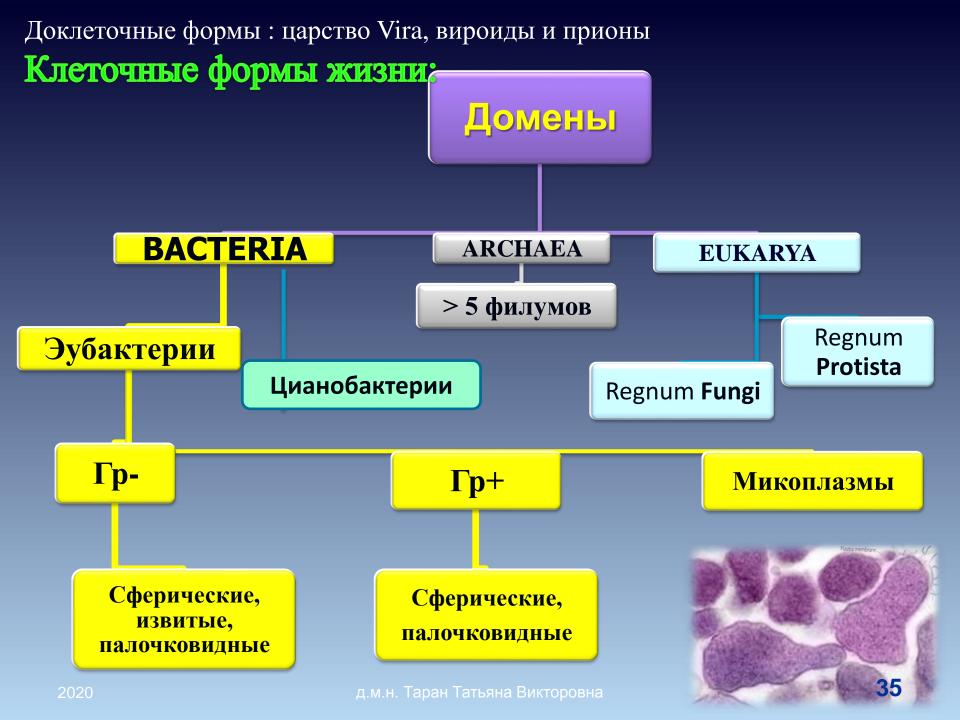
Систематика микроорганизмов

- Bergey's Manual of Systematic Bacteriology (2001) отражает филогенетическое родство.
- Микроорганизмы систематизированы по:
 - фенотипическим признакам;
 - генотипическим признакам;
- филогенетическим признакам (секвенирование 16S и 23S рРНК, анализ рРНК-нуклеотидных последовательностей).



Таксономия (систематика)

- На основе комплекса фенотипических, генотипических и филогенетических признаков микроорганизмы подразделены на доклеточные формы (вирусы – Regnum Vira) и клеточные формы, которые включают три домена:
- первый (1) домен «Archaea» предковые прокариоты или предковые бактерии; более 5 филумов;
- второй (2) домен «Bacteria» истинные прокариоты или истинные бактерии;
- третий (3) домен «Eucarya» эукариотные клетки (Regnum Fungi и Regnum Protista). Высшие животные, растения, грибы это уже не минробиология (другая систематика).
- Домены делятся на филии (или типы), которые в свою очередь делятся на классы и т.д. Так в домен «Bacteria» входит 23 филии, среди которых 6 (BXII, BXII, BIV, BVI, BVII, BXX) имеют медицинское значение.

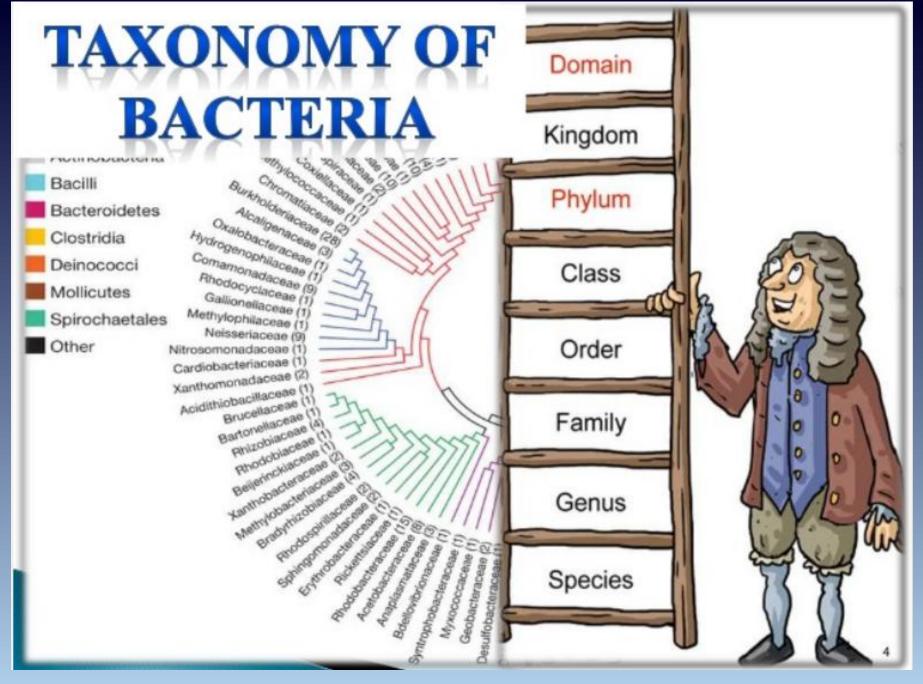


Таксономические категории:

В классификации Bergey используются следующие группы или уровни (таксоны):

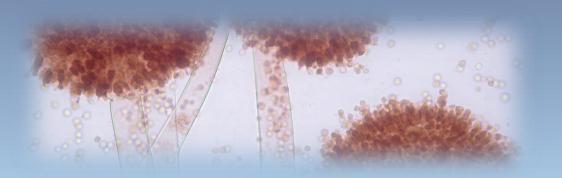
- **домен Domen**; не всегда **царство** лат. **Regnum**;
- филум Phylum (лат. тип). В классификации прокариотов для обозначения этого таксона используется термин «филум, филии», а для эукариотов «тип»;
- класс Class;
- порядок Ordo;
- семейство Familia;
- род Genus;
- вид Species.





Таксономия

- Вид (основная таксономическая единица) это эволюционно сложившаяся совокупность особей, имеющих единый тип организации, который в стандартных условиях проявляется сходными фенотипическими признаками: морфологическими, физиологическими, биохимическими и др.
- Согласно бинарной номенклатуре название вида
 микроорганизма состоит из родового и видового названия.
- При этом название рода пишется с заглавной буквы, а вида со строчной: Staphylococcus aureus (S. aureus), Escherichia coli (E. coli).



Таксономия

Внутри вида микроорганизмы могут отличаться по разным признакам. Выделяют различные внутривидовые разновидности:

- Штамм популяция бактерий, выделенных из какого-либо исследуемого материала;
- Клон популяция бактерий, полученная из одной бактериальной клетки;
- Чистая культура. Совокупность однородных микроорганизмов, выделенных на питательной среде, характеризующихся сходными морфологическими, тинкториальными, культуральными, биохимическими и антигенными свойствами
- □ Подвид, вариант (-вар) популяция бактерий, отличающихся от основного вида по какому-либо признаку или признакам: морфовары по морфологическим свойствам; хемовары по биохимическим свойствам; серовары по антигенной структуре; фаговары по чувствительности к бактериофагам; колициновары по продукции бактериоцинов; резистенсвары по устойчивости к а/б; геновары по строению части генома; биовары по нескольким биологическим свойствам.

Номенклатура микроорганизмов

Названия таксонов пишутся в соответствии с **Международным Кодексом номенклатуры**:

- латинскими буквами;
- таксоны всех рангов выше вида имеют стандартные окончания: порядок ales, напр. Bacteriales; семейство aceae, напр, Enterobacteriaceae; род um, us, например Bacillus, Bacterium;
- для обозначения вида применяют бинарную номенклатуру: первое слово обозначает род (с большой буквы), второе видовой эпитет (с маленькой). Например, Mycobacterium tuberculosis (туберкулезная палочка). Часто родовое название сокращают после первого упоминания, например, B. subtilis.
- Если у микроорганизмов обнаружены отклонения от типичных видовых свойств, то такие культуры рассматриваются как подвиды. В этом случае к названию вида добавляют название подвида через слово subspecies, например, Lactococcus lactis subsp. cremoris (лактококк молочный подвид сливочный).
- Далее может находиться название конкретного штамма

Принадлежность выделенной бактериальной культуры к определенному виду – идентификация – проводится по следующим показателям:

- фенотипические окраска по Граму, морфологические и культуральные свойства, биохимические реакции, хромогенные ферментативные реакции, использование источников углерода, антибиотикограмма, фаготипирование, антигенные свойства, химический состав клеточной стенки (пептидогликан, миколовая кислота и др.), а также белков и липидов клетки;
- **генотипические** соотношение (A+T):(G+C), гомология ДНК-ДНК, плазмидный анализ, и др.
- филогенетические для филогенетической классификации бактерий информативным показателем является анализ рРНК-последовательности, т.к. рибосомальная РНК более консервативна, она в процессе эволюции изменяемся менее значительно, чем ДНК микроорганизмов.

Молекулярно-генетическая классификация

- Предполагает анализ строения молекул важных биополимеров.
- Такая молекула должна быть консервативной и значимой для основополагающего жизненного процесса.
- Профессор Иллинойского университета Карл Вёзе предложил взять за основу прокариотную 16S рибосомальную РНК (18S рРНК — для эукариотических организмов).
- Эта молекула входит в состав рибосом, которые у всех живых существ отвечают за важнейший жизненный процесс – синтез белка.
- Аппарат синтеза белка незначительно меняется во времени,
 так как любое сколько-нибудь существенное нарушение может привести к гибели клетки.
- Поэтому в молекулах рРНК разных организмов большинство нуклеотидов неизменно, а изменяющаяся в процессе эволюции часть уникальна для конкретного организма.

Молекулярно-генетические методы

- Филогенетические методы (от греч. phylon род, племя и genesis происхождение, возникновение) позволяют проследить процесс исторического развития микроорганизмов как в целом, так и их отдельных таксономических групп: видов, подвидов, родов, семейств, порядков, подклассов, классов, царств и доменов.
- Филогенетические связи между микроорганизмами изучаются методами геномной дактилоскопии (ДНК- или РНК гомологии, нуклеотидные последовательности генов 16S p-PHK), молекулярной биологии, компьютерной идентификации.
- На основании полученных данных строятся филогенетические древа,
 которые отражают эволюционные взаимоотношения между
 микроорганизмами.
- Создаваемые филогенетические древа не могут быть использованы для построения иерархической классификации микроорганизмов и не заменяют собою систематику. Они являются одним из ее элементов.

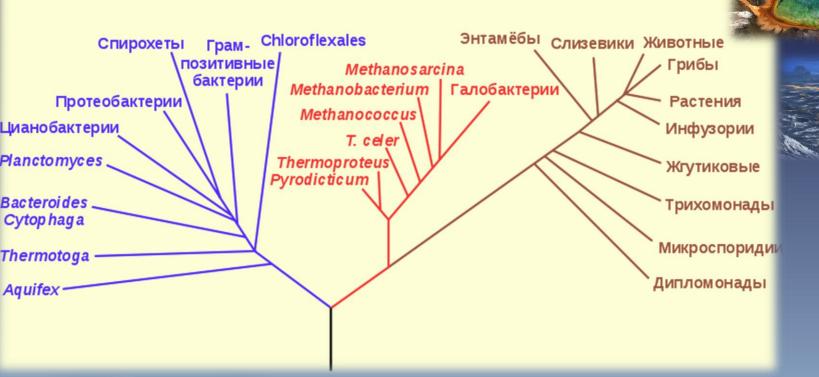
Филогения живых организмов

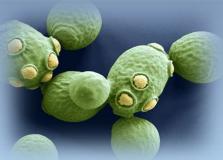
Археи

Бактерии

Археи

Эукариоты

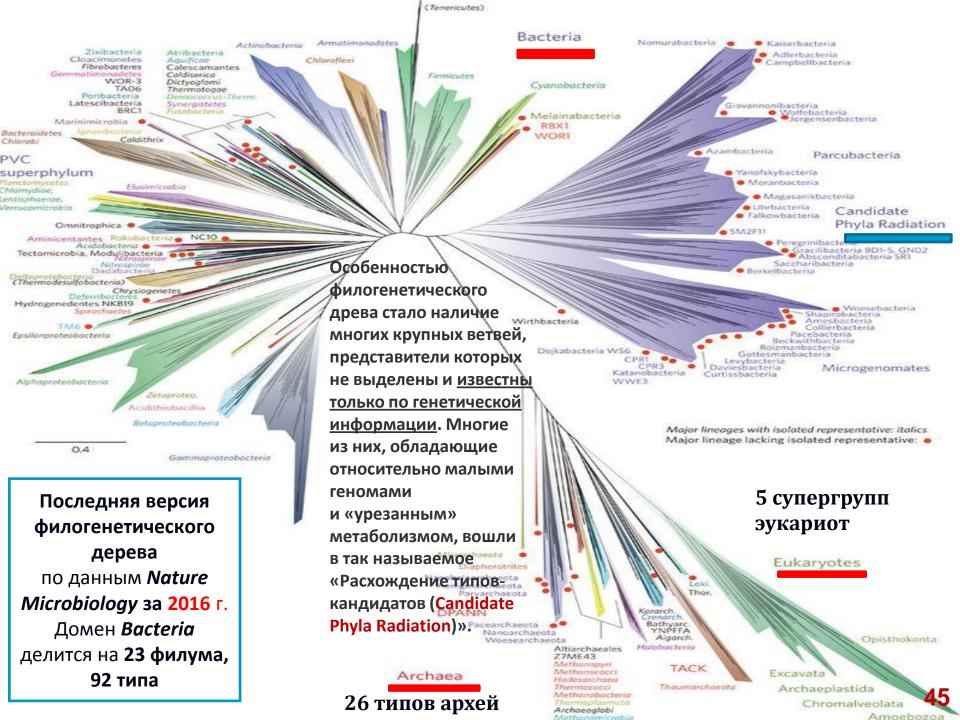




Дрожжи Saccharomyces cerevisiae. В эукариотической клетке дрожжей имеется 6704 гена, из них 2460 имеют прокариотическое происхождение.

Среди «прокариотных» генов 952 — эубактериальные гомологи, а 216 — архейные гомологи.

2020





- Изначально архей считали экстремофилами, живущими в суровых условиях — горячих источниках, солёных озёрах, однако потом их нашли в различных местах, включая почву, моря, болота, толстую кишку человека
- Архей особенно много в океанах, и, возможно, планктонные археи
 самая многочисленная группа ныне живущих организмов.
- Считают, что археи являются реликтом и самыми архаичными микроорганизмами – появились, когда молодая Земля была ещё вулканически активной – ядовитый ад (а не «тихий» пруд по Дарвину)
- Ферменты экстремофильных микроорганизмов, сохраняющие активность при высоких температурах и в контакте с органическими растворителями, находят своё применение в биотехнологии.

Характеристика доменов Bacteria и Archaea

Домен Bacteria (эубактерии)

- 1. Бактерии с тонкой клеточной стенкой, грамотрицательные (кокки, спирохеты, риккетсии)
- 2. Бактерии с толстой клеточной стенкой, грамположительные (кокки, актиномицеты, коринебактерии, микобактерии, бифидобактерии)
- 3. Бактерии без клеточной стенки (класс Mollicutes микоплазмы)

Домен Archaea (археи)

Древняя форма жизни. Имеют свою независимую эволюционную историю и характеризуются многими биохимическими особенностями, отличающими их от других форм жизни. Археи не содержат пептидогликан в клеточной стенке, коренным образом отличаются строением плазматических мембран.

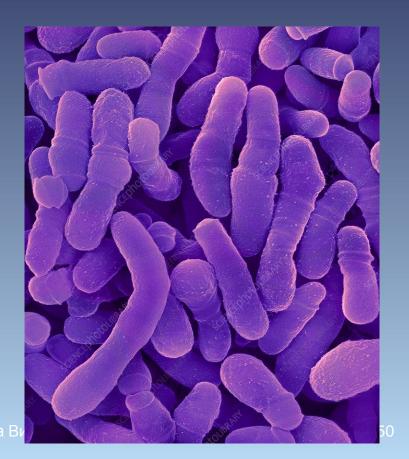
Они имеют особые рибосомы и рибосомные РНК, нуклеоид. Не формируют спор.

Среди них нет возбудителей инфекций.

 Можно сказать, что в настоящее время мы находимся только у истоков создания единой концепции эволюции и систематики бактерий



■ Коринебактерии дифтерии



Таксономическое положение риккетсий и близкородственных к ним микроорганизмов, патогенных для человека (с 2000 г.)

Прокариоты

Подгруппа **α-2** - протеобактерий

сем. Bartonellaceae

Род **Bartonella**

Виды:

B. guintana

B. bacilliformis

B. henselas

Подгруппа **α-1** - протеобактерий

Порядок Rickettsiales

сем. Rickettsiaceae

Триба Ehrlichiae

Подгруппа **ү-** протеобактерий

Род **Coxiella**

вид *C. Burnetii,* лихорадка КУ

Триба **Rickettsiae**

Род **Ehrlichieae**

Род Orientia

Род **Rickettsia**

Виды:

E. phagocytophila

E. equi-like

E. sennetsu

E. chaffeensis

и др.

Виды:

O. tsutsugamushi

(9 серологических вариантов)

Группа сыпного тифа

Виды:

R. provazekii

R. typhi

R. felis

Группа клещевых риккетсиозов

Виды:

R. rickettsii

R. conorii

R. sibirica

R. australis

R. acari

R. japonica

R. honei

51

д.м.н. Таран Татьяна Викторовна