**РЕЗОЛЮЦИЯ**

*on-line* семинара-конференции

**«Применение молекулярно-генетических и иммунологических методов для совершенствования мониторинга природно-очаговых и особо опасных инфекций»**

24 мая 2022 г.

В соответствии с Планами основных мероприятий Советов молодых учёных и специалистов ФКУЗ Ставропольский противочумный институт Роспотребнадзора, ФКУЗ Волгоградский противочумный институт Роспотребнадзора, ФКУЗ Ростовский-на-Дону противочумный институт Роспотребнадзора, ФКУЗ Иркутский противочумный институт Роспотребнадзора, ФКУЗ РосНИПЧИ «Микроб» Роспотребнадзора, ФБУН ЦНИИ Эпидемиологии Роспотребнадзора на 2022 г., 24 мая 2022 г. проведён *on-line* семинар-конференция «Применение молекулярно-генетических и иммунологических методов для совершенствования мониторинга природно-очаговых и особо опасных инфекций».

В работе мероприятия в *on-line* формате приняли участие более 40 молодых учёных и специалистов. Согласно повестке дня на семинаре были рассмотрены и обсуждены 12 научных докладов, посвящённых следующим вопросам:

- совершенствование эпидемиологического надзора за природно-очаговыми, зоонозными и особо опасными инфекциями на основе использования методов метагеномного секвенирования и генетического типирования;

- достижения в области изучения генетических полиморфизмов, ассоциированных с тяжестью течения инфекционных и мультифакторных заболеваний.

В докладах участников конференции представлен анализ приоритетных направлений развития и предложены новые подходы к совершенствованию методов изучения возбудителей инфекционных болезней и исследованию генетических факторов, определяющих тяжесть их течения и риск развития осложнений.

Представлены результаты молекулярно-генетических исследований для совершенствования эпидемиологического надзора за туляремией и геморрагической лихорадкой с почечным синдромом, молекулярно-генетической паспортизации природных очагов чумы Северного и Северо-Западного Прикаспия с помощью SNP и MLVA25 генотипирования и анализа взаимодействия *Yersinia pestis* с микрофауной почвенных биоценозов природных очагов чумы Горного Алтая. Обсуждены возможности использования комплекса молекулярно-биологических методов для внутривидовой характеристики *Borrelia miyamotoi* и молекулярно-генетического типирования изолятов ДНК боррелий и риккетсий, выявленных на территории Кавказских Минеральных Вод Ставропольского края. Рассмотрены методические аспекты определения аллелей генетических полиморфизмов, ассоциированных с тяжестью течения инфекционных (внебольничные пневмонии) и мультифакторных заболеваний с использованием ПЦР в режиме реального времени и пиросеквенирования. Предложен современный подход к использованию технологии метагеномного секвенирования при проведении мониторинга арбовирусов. Представлены результаты генетического типирования изолятов *Brucella* spp., выделенных на длительно неблагополучных по бруцеллёзу территориях юга европейской части России, а также детекции и идентификации вируса Крымской-Конго геморрагической лихорадки в клещах, снятых с сельскохозяйственных животных.

На основании анализа представленных результатов исследований участники *on-line* семинара считают необходимым продолжать активную научную и практическую деятельность молодых учёных и специалистов Роспотребнадзора по вопросам применения молекулярно-генетических методов исследования с целью совершенствования эпидемиологического надзора и изучения генетических факторов, определяющих течение инфекционных заболеваний.

Вместе с тем с целью координации и популяризации в учреждениях Роспотребнадзора наиболее перспективных научных разработок, участники мероприятия предлагают продолжить практику проведения *on-line* семинаров-конференций молодых ученых и специалистов по актуальным вопросам совершенствования эпидемиологического надзора за инфекциями и внедрения современных методов молекулярной микробиологии и иммунологии в практику здравоохранения.

Резолюция одобрена участниками семинара-конференции 24 мая 2022 г.